

Paramyxoviridae

Nipah

CDC-Kategorie: C

Risikogruppe 4

| | | | |
|----------------------------|---|---|---|
| Klassifikation | Ordnung: Familie: Subfamilie: Gattung: | Mononegavirales Paramyxoviridae Paramyxovirus Nipahvirus |  |
| Genomische Struktur | -ss RNA | Behüllt, linear, nicht segmentiert, MW ca 15-16Kb; 150-300nm | |
| Wirts-Spektrum | Natürliches Reservoir: Übertragungsweg : | Fledermäuse (<i>Fruit bat</i>). Von Schwein auf Menschen durch kontaminiertes Material, Aerosole oder Körperflüssigkeit. | |

| | | |
|-------------------|---|--|
| Vorkommen | Asien | Malaysia, Singapur, Indonesien, Thailand. |
| Klinik | Inkubationszeit: Symptomatik: Manifestationsindex Letalität Nachweisbare Immunantwort: | 4-18 Tage Vielfach inapparent. Apparente Form: Influenza-ähnlich, Fieber, Muskelschmerzen, Enzephalitis (Verwirrtheit, Koma). 100% 50% |
| Pathologie | Lokalisation: Beso Merkmale | Lunge, Gehirn. Thrombozytopenie, Leukopenie, erhöhte Transaminase |
| Diagnostik | Isolation: Serologie: Mol.Diag: | Aus Serum, Liquor, Urin oder Nasen-Rachen Sekret IgM-Nachweis aus Serum RT-PCR |
| Therapie | Prophylaxe: Postexpositionel: | Keine Ribavirin (Herabsetzung des Schweregrades). |